Codifique un script en Python que permita aplicar sobre el *Dataset* breast cáncer (cáncer de mama), incluido en la biblioteca de Scikit-Learn, la aplicación del clasificador SVC (*support vector classification*) y que genere un modelo cuyos resultados puedan ser evaluados en detalle en base a las métricas vistas en el curso. Para ser más precisos, se solicita que el script tenga la capacidad de:

1. Cargar el conjunto de datos y guardarlo en un *DataFrame*.
2. Dibujar la distribución de muestras en base a las cuatro primeras variables del conjunto de datos, tomadas dos a dos.
3. Representar gráficamente la cantidad de muestras por clase (Maligno y Benigno)
4. Representar el mapa de correlación entre variables.
5. Subdividir el conjunto de datos de entrada en dos subconjuntos: entrenamiento y prueba, con una proporción del 70%-30%.
6. Aplicar el clasificador SVC y obtener resultados.
7. Calcular, mostrar y generar una gráfica de la matriz de confusión.
8. Cálculo de métricas: exactitud, precisión, exhaustividad, pérdida logarítmica y valor-f
9. Generar y dibujar una gráfica con la curva ROC. Calcular el valor del área bajo la curva AUC.